

海的现在分词 经现代证据

hN-CoR	h-SMRT hn-Cor	h-SMRT hN-CoR	h-SMRT hN-CoR	h-SMRT hN-CoR	h-SMRT hn-cor	h-SMRT hN-COR	h-SMRT hN-COR	h-SMRT hn-Cor	h-SMRT hn-Cor	h-SMRT hn-Cor	h-SMRT hn-Cor	h-SMRT hn-Cor	h-SMRT hN-COR	h-SMRT hn-cor	h-SMRT hn-cor	h-SMRT hN-Cor	h-SMRT hn-cor	h-SMRT hn-cor
ЮЗGFDOLVAQ-ТWRATE4RVPPHSL4FPVOLAREHTDVGLLEFDFHSRDVAGHПSPGS11AQPQRRRPSLLSEFPFPARRPSGHLHRPSESHSYIPPLGKSENRFTESKRPRLELLPPFLLKPSPH4AVAQFA МЗSSSYPPNQSAFSTEQS <u>RYPPHS</u> VQTFPNTEHQOEFAVPHYRSSHLEVSQASQUQQQULRRRPSLLSEFHEGSKHRPDRRRPSYEPFHFPPSPVDHDSLESKRPRLEJVBDFHFORVSAAULPLVHEJ-PBGLR	33 GEDLIKORSLIJIK EPVSIFISPPHT-DPELELVFPRLFKEELIOMDRVDREJIMVEOOJSKLKKKOOOLEBERAKPEPEREVSPPHIBIKHRSIVOIIYDENRKKABMAHTLEGLGHVELPLINOFSDIKVIHEN 39 ASADAKODPAFGIKIRASEUSGOPGODONASESKLEKEELIOMDRVDREJAKVEOOJIKLKKKOOOLEBERAKPPEPERPVSPPMEDKIRSHVOIIYDENRKKABHAMIFEGLGHVELPLINOFSDIKVIHEN	10 IRINGMERKLIIMFRRENHARKOMKORFCORYDOLMERLEKKVDETERNVERBAKESSKREFYEKOFPETRKORELOERGORGGCLENSARAREEHENEETIDGLEEGENVERREKORGOLGFORFOFFULF 19 IIGINGMERKLIIFFRRENHARKGREDGLORYDOLMERMEKKUDETERNPREKKESKUREYYEKOFPETRKOREGOERGFOLGFULGFATIAESEHETEETIDGLEEGENVEKOMROLFIVFPMFDAROKRIKEF	10 БИМИБЛИДРИКУУЮЖОЛИМИЙ БЕС <u>ЕКБРЕЙ БЕКТИОНРКОРОЛ ТАЗНЕВКИЙ ДЕСУТУУТТКОКВОУКВЕЙТВЯ</u> Р РЕВЕСКОСОСОСООРООООООРИРИЗС <u>ОБКИВНЕВИТЕКТИВНЕВ СИТЕМИВНЕВ СИТЕМИВНЕВ ВИТЕМИВНЕВ СИТЕМИВНЕВ СИТЕМИВНИВ СИТЕМИВНИВ СИТЕМИВНЕВ СИТЕМИВНЕВ СИТЕМИВНЕВ СИТЕМИВНИВ СИТЕМИВНИВ СИТЕМИВНИВНИЯ СИТЕМИВНИВ СИТЕМИВНИВ СИТЕМИВНЕВ СИТЕМИВНЕВ СИТЕМИВНЕВ СИТЕМИВНЕВ СИТЕМИВНИВ СИТЕМИВНИВНИЕМ СИТЕМИВНИВ СИТЕМИВ СИТЕМИВ СИТЕМИВ СИТЕМИВНИВ СИТЕМИВНИВ СИТЕМИВНИВ СИТЕМИВ СИТЕМИВ СИТЕМИВ СИТЕМИВНИВ СИТЕМИВНИВ СИТЕМИВНИВ СИТЕМИВ СИТЕМИ СИТЕМИВ СИТЕМИВ СИТЕМИВ СИТЕМИВ СИТЕМИВ СИТЕМИВ</u>	49 RIDDITSGEDNIEREN VASKGRRYTANSGGRRKGRITRSPANSEERITPOOSAELASMELAEBSRRTEEENBIRKKGILEFGRNAGAIAWGGRGVSOKNFVFNYRARFALTELAGOHKURKRRA 53 KIDDID-LETTEREREN VASKGRRKKGRITRSMINEBAAAGAAAAATEEPPPLPPPEPTSIEPFRKTEEENBYRKGINEHGRNAMALAMWGGKSFACKNFYFNYRARFULGOHKGKTRRFRRPR	79 ARRKKKRAPAMSEBAAFPPVVEDBYGENESASVSGNEEBAVBELHASGNEVPRGECSGPATVNNSSDTEBIPSPHTEAAKKTTGONGPKPPATGADGPFFGPFTFFRRAFSFRAFIEFTPPASFSPSAP 92 EBBYSQCESVASTVSBJGEDEPIBASNEEBYREDSEVEBAVKPSEDSPENATGSRONTSPAVELE	119 PPVVPKEBKEEETAAAPPVEEGSEGKOPPAGELAVDIGKABBETVKSECTEEABBGPAKGKOPAGAATABBALKAEKKEGGSGRATTUKSSGAPODSDSSATCSADBVDEABGGDKARLLSPRFSILINDTODPRANAS 94EDMOVOQOEHSA <u>EEG</u> SVCT <u>PDFYA</u> FK-ADSVOVBJANDVBSVABSDVTKERQDLOVAQOIMADRPEPOSDNDSSATCSADBVVOGEP-ERQEMFPMDSK <u>PSILINDTO</u> STLVSSP	157 - РОКРЕБЛЮЛКОРАТАЦТРРІ ОУТКУНЕРРКЕВЛАНТКРАРРАДРРРОМД-ОРЕБІДРООРОБІЗ РРАСКЕЙБРАРАДРОМ БАГАЗІСЬНУР ВИКАЗІТА В В В В В В В В В В В В В В В В В В В	.095 VIPAPRITSNPPLISSKRIPSVLERGIBAISGGMSVOLHVFYBEHA-KARVGEVTMGITRLPMDPKRIAPESGKKÖBOLSPRGORGFBEGLIVPAGERGETAGSVPGSSITMGHBFRKVPSIGATTA .030 TREPEBLIPSSKTTVASELYSFIMGGSIBGGTRETVLTSHNQAGYNGETRIPSTKGSPRAGHANLPYIKOBERSPREDBSONSGPBGLIVRAGHEG-IMRGIB-GAITAGHBFRKVPSIGA FREGSITA	.232 GTPADVL/KGNTINKI IGEDSPSKLDRGREDSLHKGHVIVEGINGTHALSYBGGNSVTQCSKEDGRSSSGPFHETAAFKRANTOMVEGRVGRAISSASTEGINGRAHPPFRHFSPH-HLKEDHH KGSTN 1.168 GTPALPOTOIPTEALNKGSIJENPTEDSSPBKGREBEAASKGHVIVEGINSTEGINSTROMAREGINSSPRESPINGGNIKGGNIKGSPRESPVEAPUEGLIGGAUGHTP-BLESPHSPLKGSTNLAGGSDV	.357 (ОЗПРЯБУУБНОЕПИТАКВАТЫКВБЭТРРРРРЯЯРИЛЯБУКТОАLOPIKIKРАНЕВИУАТУКТЫЗТИБІТРВЕВКИТРЕЬРІАНКЕСЯ ПОСТРАКИПУЛСАН КИТОЗЛАННУКВЫ БАКТІРРУИЛІГО. .296 (ОЗПРВЯТІВЬТЕГЕЦИКУ-НКО ЛІКВБУРЭЧІВАТВАВИТКИКВ-ИТВІТНІВ РЕВОВІТІ ОЗВЯКІТЕВУВ ПЕСЯ ЗКОСТЕЦКНОМ 1800 SA 114-НУМУВІЛ ПАВЖІ SROMPELE	1492 WADDA-RALERAGYBBBLKSRPGTAS <u>SSGSIARRAPVIVFBLGK</u> PRGEPLTRFDIGAPPAGHLFRGSPVTWRPPTPRLOEGSLSSSKASOGRR-LTFTPRBIAKSPHSHVFFH-PJSFYPHLJRG 1422 IVPENIKVV <u>ERGNYED</u> VKAG <u>E</u> UVRSBHTSVV <u>SSGPSVIR</u> FTLHERTROLEFGTRJFGFFTPVSYQNTWSRGSPWNNRTSDVTIPPNKSTNHE <u>RISTLFFTPRB</u> -SIFANGSPVHSVUFHVNSHSHFRDFHRRG	.618 VSGVDIЙКБИПРАКРЭТЕПРКОТРГБРАЛАЙТ КРИСЛРИЙРИТРИТРЕТТАХУРОТАЛЬКОТПИОТІТЅОМНИТАТАМАСКРОЛЕВЕПЛИМАРНЯ БЕТГОЦИМРР-ТЕТРАТАЙЛ 1554 STACEVIMENTOPA МРЕНКАДЛРАЛАМИТ СЕДЕРНЕТ БЕСТЕТКОТИМЕТ ТОТТИМОТІТ СОМО **********************************	1757 RAMPIPTAROJFSGRH-SGSPUSPGFFTHLFTKPTTTSGSEKERIRDFFRUSPERSEKGILTSTTTVEHAPIWFPGTFGSSGSGGGGSSSGRGGSSSGFRFISHAHOHSFISPKTOPHLOORPSVLAMTDHKGJITTAVEPFTR 1677 RITUDIPSTQTJPPHBFTNGNSWSGGF <u>CTHL</u> AAANSMERERBRERFRFRGHRERSILMAASSDLYIRPGSEQP	өзе тульятыя заратрерынисны эспирауурты жерды нед	оов эрбррарраваястрикектозкербтосыстюся делем пределения пределения пределения пределения пределем пр	148 ТЯННРООСЬЯРБАЯСТРИДО ЦТКРРБОЦТТРРООНОАРАЙБЯНКЕСОСТЯ БРРБИТСТВИСО ОСЕВОЛЕЙБРЕСИТЕРФИТЕЛИКТОГО БЕРАКТЕЛИТЕТИТЕТИТЕТИТЕТИТЕТИТЕТИТЕТИТЕТИТЕТИ	278 SNSAMVKŠKKOBINKGANTHNRNEPEYNI <u>GOPOTETFRAMINGTGIAMTYR</u> SQAVQEH <mark>KSTINKTEMITRKALMO</mark> SKODPHEBPPLSANAFAPIANASASLPAAMPTINADORSDHTLTBFOGGG-FARVSGRPSFRPR 200 NISPMVKSKKOBI FRKLASSGGDSDMAAA <u>OPOTEIFNAMI</u> TSSSVSGBJHSFADFAG-IN <u>IGLEDIIRKALMO</u> SFDDRVBDVMSQEMGVVPGTANTSVVIJSGETIRREEGDF <u>SD</u> HSGGVOKFILISKSRKSKIK	1416 <u>SPAPGIA— sodrājestijskritījinkvāddrspapassagstipptvaplimāl</u> oagvaasppolpagsgpl-174f rija a—— md <u>rētāgvīstijob</u> e 1337 s <u>ptipo</u> ggylotieripsussviseodkardipi-Gamamedresstīgstifppvaplimām—— lestipogramagaapamamedametrapelilemodr

FIGURE

WITH NUCLEAR HORMONE RECEPTORS A PDEC 0 9 2002 THEREFOR - Evans et al. - 09/522,753 THADE WAS SNOR motif 10 20 30 4 0 5.0 KETILLMOIOKVDNEIKSAETTMETLRKKEKSIMEEAALAKEORAAKELND KEELIOSMDRVDREIAKVEQQILKLKKKQQQLEEEA--AKPPEPEKPVSP SMRTER: 573 mN-CoR: 177 hSMRT : KEELIQUMDRVDREITMVEQQISKLKKKQQQLEEEA-169 -AKPPEPEKPVSP 60 7.0 80 9.0 100 NNNDQEPMVELSWRSQMLAEKTYAANRKTADACHSMLQNAAADESSPGSV -----PPVEQKHRS--IVQIIYDENRKKAEEAHKIFEGLGPKVE---------PPIESKHRS--LVQIIYDENRKKAEAAHRILEGLGPQVE----SMRTER: mN-CoR: 226 hsmrr . 110 120 130 150 AGRPWLPLYNQFLDVEALAMLIROHOSQIRAFLILHIRKLKABRWAHNOG SMRTER: 673 mN-CoR: 263 hSMRT : LPLYNOPSDTROYHENIKINOA-MRKKLILYFKRRNHARKOWKOK 254 170 190 200 LVEKYTKDQADWORRCERMEASAKRKAREAKUREFFEKVFTELRKQREDK ICQRYDQLMEAWEKKVDRIENNPRRKAKESKTREYYEKQFPEIRKQREOO SMRTER: 723 mN-CoR: 307 FCQRYDQLMEALEKKVERIENNPRRRAKESKVREYYEKQFPEIRKQRELQ hSMRT : 298 210 220 230 SMRTER: ERFN-RVGGR------IKSEADLEEIMDGLOEOALEDKKMRSYAVIPP ERFO-RVGORGAGLSATIARSEHEISEIIDGLSEOENNEKOMROLSVIPP ERMOSRVGORGGGLSMSAARSEHEVSEIIDGLSEOENLEKOMROLAVIPP 773 mN-CoR: 357 hSMRT : 348 260 270 280 LMHDARORRCAYHNENGLIEDMVAVHQQRKALNM MMFDAEQRRVKFINMNGLMEDPMKVYKDRQFMNV MQYDADQQRIKFINMNGLMADPMKVYKDRQVMNM SMRTER: mN-CoR: 406 hSMRT : 398 **SANT** domain 10 20 3.0 WTAGEKETFKEKYLOHPKNFGATAASUDR-KSPODCVRYYYLSKKTENY 100%
WTDHEKEIFKDKFIOHPKNFGLIASYLER-KSVPDCVLYYYLTKKNENY 68/80%
WSEQEKETFREKFMOHPKNFGLIASFLER-KTVAECVLYYYLTKKNENY 68/80%
WSPEERSLFKSROADHVKIFHGLTEFFVD-KTASDLVLFYYMNKKTEDX 35/53%
WTPDEIYQFODAIYQSEKDFDKVAVELPG-KSVKECVQFYYTWKKDCPD 38/56%
WTEEECRNFEQGLKAIGKDFHLIDANKVRTRSVGECVAFYYMWKKSERY 36/56%
WTEEEMEVAKKGLVEHGRNWAAIAK-MVGTKSEADCKNFYFNYKKRHNL 34/53%
WTEEEMETAKKGLLEHGRNWSAIAR-MVGSKTVSOCKNFYFNYKKRQNL 38/57%
WTVKDKVLFEQAFSFHGKUFHRIDQMLDD-KSIASLVKFYYSWKKLRTK 37/50%
WTDQEITLFENCYQIFGKMFSQIRSALCH-RSLQSIVQFYYESKKRVKY 39/51%
FTDHEHSLFLEGYLLHEKKFGKISHYMGGLRSPEECVLHYYRTKKTVNY 46/62% SMRTER :848 mN-CoR(1):440 hSMRT(1) :432 c14B9.6 :615 cF53H10 :218 :277 mN-CoR(2):627 hSMRT(2) :615 hKIAA0071:106 CMTA-I :198 YCR592 :673 α-helix α-helix ITS motif **GSI** motif TRQIVMHDYITSQQMQ SMRTER:2424 SMRTER: VKSGSIIHGTPANS 2274 SMRT:1681 VKSGSILHGTPANS
GKHGSITOGTPLHM
VPGGSITKGIPSTR
TYRGSITHGTPADV
HIRGSITOGIPRSY
LKEGSITOGTPLKY
SSGGSIARGAPVIV
TPPGSILISEPIKP NRQTIINDYITSQQMH 2236 N-CoR:1615 TROTILNDYITSQQMQ SMRT: 1203 1224 1350 1446 1517 N-CoR: 921 1064 IMGGSISOGTPGTY LSD motif PSVGSISTGEPRQQ 1092 VQEGSITRGTPASK SLRGSITQGTPALP VLSGSIMQGTPRAT IIEGSISQGTPIKF 1149 1171 SMRTER:3430 ESKPLLLSKYDALSD-ED EPKPLLCSOYETLSDSE EPAPLLSAOYETLSDSDD 1302 SMRT: 2501 N-COR: 2436 1388 C14B9.6: QTQGSLTSGTPFQA 920

OF TRANSCRIPTIONAL CO-REPRESSORS THAT

FAMII à

1

11. E.